**Mmu SDHD**

>ENSMUSG00000000171:ENSMUST00000000175.5 utr3:protein\_coding

**CCTGGGTGCAGCACTTTGAT**TGTGTGCCT **CCTTGCCTCTGCTTTACCAA**TGCCGTTCACC

TCGCAGTGAGGGGGGATGAAGGATAAGCCCATTGGTGGGCAGAATGTCTTCTAATTACAT

GGTTATTTTCAGAATTTATTTGTTGAGGAAGAGGTTTGAGGAGTTAGGTTCGACCATTCG

TGAGTCTGTGTTCCATACTCCACTGAGTGTGGGCACTAGCTCACAGCCTCGCGGTGAGAC

TGAACATTTCATGAGCTCATGTTGCCTTTGACCACCATTTCTTAAGGAGAGCCAGCTGAT

TGCTGTCAGGATAAGAGCATCTCTTCAGCCAGGAGGGAGGCCTGTTCCCTCCTGAGTTAG

ACTTTGCATGAAGCTCGAAAGTATTCCCTTTGGAACCTCCCATTCTTGTTCAGGTGACAC

CAGCTCTGTTGATGGCTCTGCTTCTAGGGAACATTTAATCAGGAGATGCTCTCAATGACT

AATTTGTCTAAGTCTTAGGAAGGAGGTTGAGGAAAGCTGGATTTAGACAAGTTCAATTTA

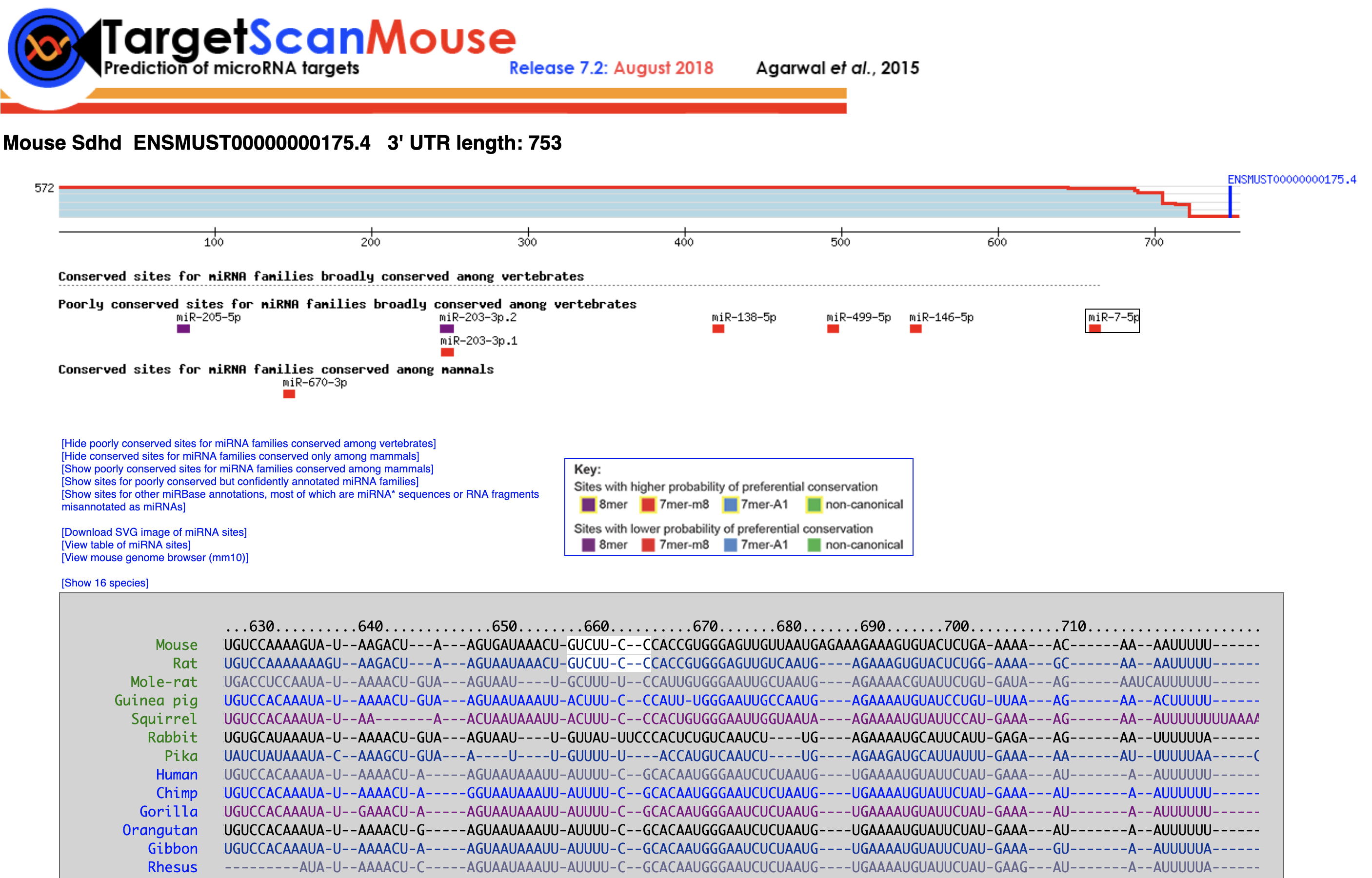
GGGAGTTCTCCTTGTTTGTGGATTAAAATATGACAGATTGCAAACAGACTACTCTTCAAA

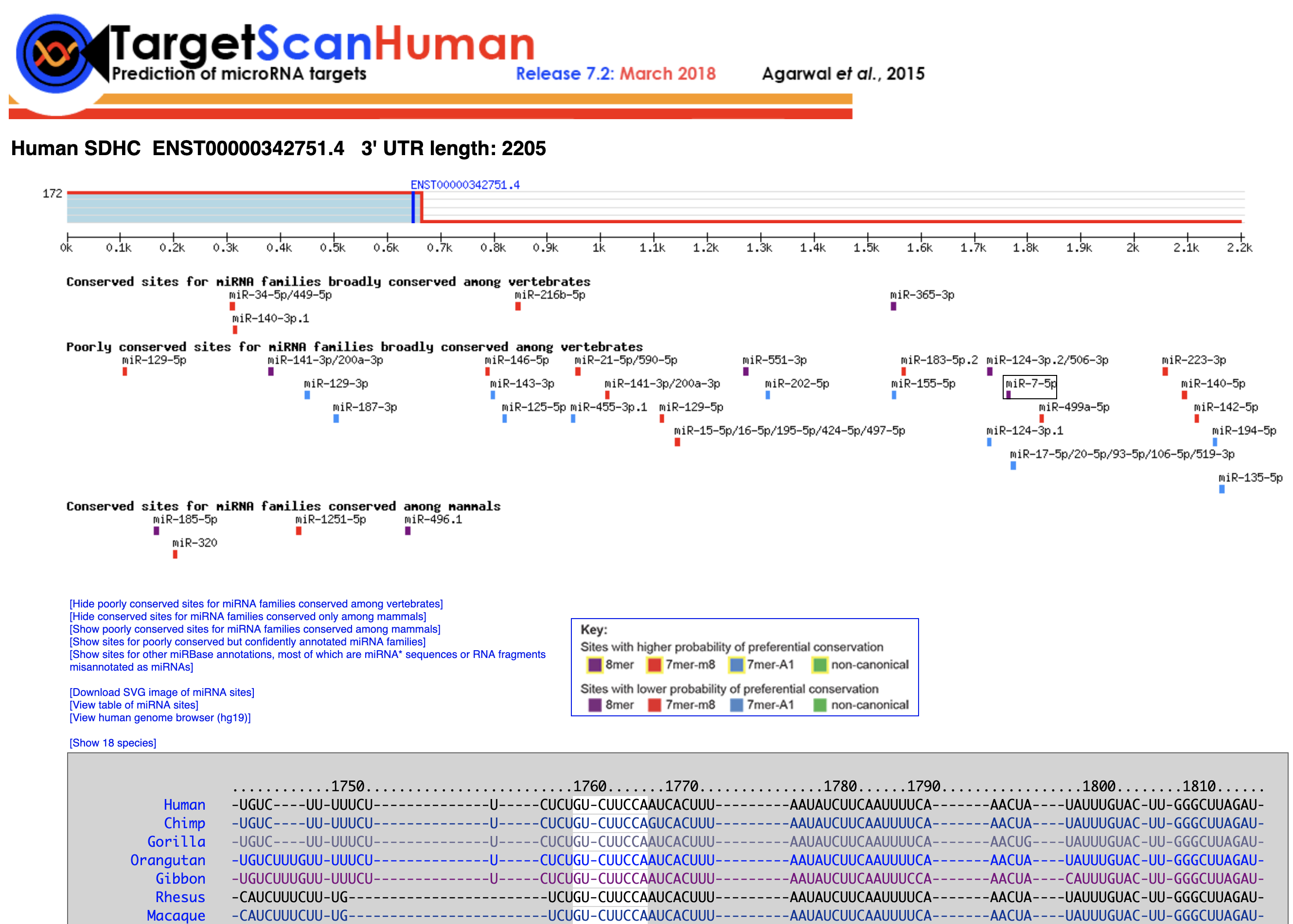
TGTATCTCAATTGTGCAGAAGTGAGCTGTCCAAAAGTATAAGACTAAGTGATAAACTGTC

TTCCC**ACCGTGGGAGTTGTTAATGAG** AAAGAAAGTGTACTCTGAAAAAACAAAATTTTTA

AATAAAAT

7mer-m8





>utr|3HSAR044170

ATCCTTTTGTATTTTCAGATCTCCTTGGAGCAGTAGAGTACCTGGTAGACCATAATAGTGGAAAAGGGTCTAGTTTTCCCCTTGTTTCTAAAGATGAGGTGGCTGCAAAAACTCCCCTTTTTTGCCCACAGCTTGCCTACTCTCGGCCTAGAAGCAGTTATTCTCTCTCCATATTGGGCTTTGATTTGTGCTGAGGGTCAGCTTTTGGCTCCTTCTTCCTGAGACAGTGGAAACAATGCCAGCTCTGTGGCTTCTGCCCTGGGGATGGGCCGGGTTGGGGGGTGGGTTGGTGAGGCTTTGGGTGCCACTGCCTGTGGGTTGCTGGCTTAAAGGACAATTCTCTTCATTGGTGAGAGCCCAGGCCATTAACACCTACACAGTGTTATTGAAAGAAGAGAGGTGGGGGTGGAGGGGAATTAGTCTGTCCCAGCTAGAGGGAGATAAAGAGGGCTAGTTAGTTCTTGGAGCAGCTGCTTTTGAGGAGAAAATATATAGCTTTGGACACGAGGAAGATCTAGAAAATTATCATTGAACATATTAATGGTTATTTCTTTTTCTTGGATTTCCAGAAAAGCCTCTTAATTTTATGCTTTCTCATCGAAGTAATGTACCCTTTTTTTCTGAAACTGAATTAAATACTCATTTTATCTTTGACTCTCCTTGAAATCTAGAGAAACCAAGAAAATGGCTGTTGGGAAGGAACCAATTTCCTCCTCTTCCCTCGGGTCTCAGGCATTTACATCCTCCCTCTCCCCGCAATCTGACCTTTACCAGGAGGGAAACAGTTCTCCTACATCTCATCATTGGAAAAGTTTTCAGGGAATCAGATAGAACTTAGCCAGAGATTTAAATATCACAGAAAAGCCTCAGAGAAGGAAGGAGAAAAAGAAAAGAAGTGACGCATGTAGAGTGCTTTTGGGTTATAGGCACCAAAATCCCATTAAGGACTGATTATAAGCTTCATGGTACAGTTCAGCAAATTATGATTCATTGAGGGGCACAGAGGACCAGTGTTGGTGACAGCTAGGGGATGATGACCTGAGGTTATAGGCTTGGGGTGAATGAAGCATAGAGTTTTTTTTTAAAAAAGAAGGGATTGTTGAAAACCTGGCAAAAATGTATAATTTAATGAGAAAACTTGCTGCTTTTAAAATCCATATAGGCCAGGCTTTAGCAGGCATGCTGTTTTGATAGTTTTTGGGAACTCTGGAATAAGAGACTTATCTCATCTGTCACTTCGAGTTGTTGGCCAGCCAGTTAAAGCTGTGGGTCGAAGAGGGGAAATGTTAACTGGCTGGTGTCAATTGGATAGGAAGACCTTAGTTAAGGTGGGGACCCGCTGTTTTAACAGTCTTCATTCAGGGTCCCAAATAGTATTTGGCTTTAAGTAATGATTGGTTTTCCCTTTTTACTAGAGGGGCCCTGGGAAGTCCTTGTACCTTTCCTCCATTTTAAACCAGCTGTTCTCTACTTTGTCCTTGGAATGAGGGACAAGTGATCATGACAGAACACTTTGTCATTGGGACTGGGAAAGGTTTGGCAAGGGCATTAAATTTAACAGCCAGTGCCAGGAAAATATAAAATGGGGTCAATGATAAACAGCTGTTAGAGGCTGGAAAATGGGTAGGGCAGTTGAATTTTTTGGTGGTTTCGTACCATTTGGGTGATTGAAGCATGGTAGTGGGTGGGTGGGGGGTGTGACAGAGCATCATGTTTGTTATTCTGCCTTAAATTTCTACTTACTGTCTTTTTCTTCTCTGTCTTCCAATCACTTTAATATCTTCAATTTTCAAACTATATTTGTACTTGGGCTTAGATAGAAAGTCTTACACAAGCATAGTATCTTCTACTTTGGTTTTCCCTACCTTTTCTTCCCCACCTTCTCCAAACACACATATACATACTCTACTCAATTCTATTTCTGATTTTGTAGTTGTTAGTTGTCCATGCTCAGGATAAAAAATGAGTGGGTAGGGTTGAGGGACTGGTTCTTTGAGGTTCTGCCCTTTTTCCATGATTCAGACCAACTTTCTCTTGGTCATTTCTGGAGTATAACTGACTCAATTCTTGTAAAAATGTGTTCCACCCAAACCACTGTATGTTCTTTTCCCTACTTTATTTTCTCCTACCTTCCTTCTCCTAATTGTGTTACAAGAGGCAGCCATAGCAAGAATGGAAAATCCAGATCAGTAAAAGATTCAACAAAAAAAA

**8mer**

>utr|3HSAR046088

AGAAA **GGAGGCTCCCAGCATCA**TCTTCCTACACATTATTACATTCACCCATCTTTCTGTTTGTCATTCTTATCTCCAGCCTGGGAAAAGTTCTCCTTATTTGTTTAGATCCTTTTGTATTTTCAGATCTCCTTGGAGCAGTAGAGTACCTGGTAGACCATAATAGTGGAAAAGGGTCTAGTTTTCCCCTTGTTTCTAAAGATGAGGTGGCTGCAAAAACTCCCCTTTTTT **GCCCACAGCTTGCCTACT**CTCGGCCTAGAAGCAGTTATTCTCTCTCCATATTGGGCTTTGATTTGTGCTGAGGGTCAGCTTTTGGCTCCTTCTTCCTGAGACAGTGGAAACAATGCCAGCTCTGTGGCTTCTGCCCTGGGGATGGGCCGGGTTGGGGGGTGGGTTGGTGAGGCTTTGGGTGCCACTGCCTGTGGGTTGCTGGCTTAAAGGACAATTCTCTTCATTGGTGAGAGCCCAGGCCATTAACACCTACACAGTGTTATTGAAAGAAGAGAGGTGGGGGTGGAGGGGAATTAGTCTGTCCCAGCTAGAGGGAGATAAAGAGGGCTAGTTAGTTCTTGGAGCAGCTGCTTTTGAGGAGAAAATATATAGCTTTGGACACGAGGAAGATCTAGAAAATTATCATTGAACATATTAATGGTTATTTCTTTTTCTTGGATTTCCAGAAAAGCCTCTTAATTTTATGCTTTCTCATCGAAGTAATGTACCCTTTTTTTCTGAAACTGAATTAAATACTCATTTTATCTTTGACTCTCCTTGAAATCTAGAGAAACCAAGAAAATGGCTGTTGGGAAGGAACCAATTTCCTCCTCTTCCCTCGGGTCTCAGGCATTTACATCCTCCCTCTCCCCGCAATCTGACCTTTACCAGGAGGGAAACAGTTCTCCTACATCTCATCATTGGAAAAGTTTTCAGGGAATCAGATAGAACTTAGCCAGAGATTTAAATATCACAGAAAAGCCTCAGAGAAGGAAGGAGAAAAAGAAAAGAAGTGACGCATGTAGAGTGCTTTTGGGTTATAGGCACCAAAATCCCATTAAGGACTGATTATAAGCTTCATGGTACAGTTCAGCAAATTATGATTCATTGAGGGGCACAGAGGACCAGTGTTGGTGACAGCTAGGGGATGATGACCTGAGGTTATAGGCTTGGGGTGAATGAAGCATAGAGTTTTTTTTTAAAAAAGAAGGGATTGTTGAAAACCTGGCAAAAATGTATAATTTAATGAGAAAACTTGCTGCTTTTAAAATCCATATAGGCCAGGCTTTAGCAGGCATGCTGTTTTGATAGTTTTTGGGAACTCTGGAATAAGAGACTTATCTCATCTGTCACTTCGAGTTGTTGGCCAGCCAGTTAAAGCTGTGGGTCGAAGAGGGGAAATGTTAACTGGCTGGTGTCAATTGGATAGGAAGACCTTAGTTAAGGTGGGGACCCGCTGTTTTAACAGTCTTCATTCAGGGTCCCAAATAGTATTTGGCTTTAAGTAATGATTGGTTTTCCCTTTTTACTAGAGGGGCCCTGGGAAGTCCTTGTACCTTTCCTCCATTTTAAACCAGCTGTTCTCTACTTTGTCCTTGGAATGAGGGACAAGTGATCATGACAGAACACTTTGTCATTGGGACTGGGAAAGGTTTGGCAAGGGCATTAAATTTAACAGCCAGTGCCAGGAAAATATAAAATGGGGTCAATGATAAACAGCTGTTAGAGGCTGGAAAATGGGTAGGGCAGTTGAATTTTTTGGTGGTTTCGTACCATTTGGGTGATTGAAGCATGGTAGTGGGTGGGTGGGGGGTGTGACAGAGCATCATGTTTGTTATTCTGCCTTAAATTTCTACTTACTGTCTTTTTCTTCTCTGTCTTCCAATCACTTTAATATCTTCAATTTTCAAACTATATTTGTACTTGGGCTTAGATAGAAAGTCTTACACAAGCATAGTATCTTCTACTTTGGTTTTCCCTACCTTTTCTTCCCCACCTTCTCCAAACACACATATACATACTCTACTCAATTCTATTTCTGATTTTGTAGTTGTTAGTTGTCCATGCTCAGGATAAAAAATGAGTGGGTAGGGTTGAGGGACT**GGTTCTTTGAGGTTCTGCCC** TTTTTCCATGATTCAGACCAACTTTCTCTTGGTCATTTCTGGAGTATAACTGACTCAATTCTTGTAAAAATGTGTTCCACCCAAACCACTGTATGTTCTTTTCCCTACTTTATTTTCTCCTACCTTCCTTCTCCTAATTGTGTTACAAGA**GGCAGCCATAGCAAGAATGG** AAAATCCAGATCAGTAAAAGATTCAACAAAAAAAA